

Determining the Prevalence Rate of *Mycoplasma genitalium* in Patients with Prostatitis by PCR-RFLP Technique

Irajian GR¹, Mirnejad R*², Jalali Nodoshan MR³, Ghorbanpour N⁴

¹ Department of Microbiology, School of Medicine, Tehran University of Medical Sciences, Tehran, Iran

² Molecular Biology Research Center, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Tehran, Iran

³ Department of Anatomy and Pathology, School of Medicine, Shahed University, Tehran, Iran

⁴ Department of Microbiology, Faculty of Basic and Medical Sciences, Islamic Azad University of Zanjan, Zanjan, Iran

* Corresponding Author. Tel/Fax: +982188039883 E-mail: rmirnejad@yahoo.com

Received: 15 December 2011 Accepted: 1 January 2013

ABSTRACT

Background & Objectives: Prostatitis is relatively one of the common diseases in elderly men. Treatment of this disease is difficult and because of frequent relapses, it provides complicated problems for patients and the physicians. Detection of reservoirs and determination of prevalence of involved microbes in prostatitis are important in the epidemiology and control of the disease. This study was conducted to determine the prevalence of *Mycoplasma genitalium* in patients with prostatitis by sequencing and PCR-RFLP techniques.

Methods: In this cross-sectional study, 200 paraffin-embedded prostate samples from patients with prostatitis during 2008-2011 were checked for *M. genitalium*. After cutting the tissues and homogenization, the genomic DNA was extracted and used as template in PCR. Primers targeting a 465 bp regions of 16S rRNA of *M. genitalium* were used in the assay. PCR products were sequenced and *Cac8I*, *Bbs I*, *EcoRI*, *AluI*, *TaqI* endonucleases were used in RFLP analysis.

Results: Of 200 samples, 4 were positive in PCR. The results of DNA sequencing and RFLP confirmed the amplified genes corresponded to *M. genitalium* G37.

Conclusion: The Mycoplasma genome present in tissue samples of prostate showed this bacterium could be one of the risk factors for prostatitis in men. However large studies and control groups are needed to prove this finding.

Key words: Prostatitis; *Mycoplasma genitalium*; PCR-RFLP; 16S rRNA

تعیین میزان شیوع مایکوپلاسمای نیتالیوم در بیماران مبتلا به پرستاتیت با روش PCR مولکولی

دکتر غلامرضا ایرجیان^۱، دکتر رضا میرنژاد^{۲*}، دکتر محمد رضا جلالی ندوشن^۳، نفیسه قربانپور^۴

^۱ گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی تهران، تهران، ایران

^۲ گروه علوم تشریح و پاتولوژی، دانشکده پزشکی، دانشگاه شاهد، تهران، ایران

^۳ گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه و پزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد زنجان، زنجان، ایران

E-mail: rmirnejad@yahoo.com *نویسنده مسئول: تلفاکس: ۰۲۱-۸۸۰۳۹۸۸۳

چکیده

مقدمه و هدف: پرستاتیت از بیماری‌های نسبتاً شایع ارولوژی در بیماران مسن می‌باشد. درمان این بیماری مشکل است و اغلب به خاطر عودهای مکرر آن مشکلات پیچیده‌ای را برای بیمار و پزشک معالج به دنبال دارد. تشخیص مخازن بیماری و همچنین تعیین میزان شیوع سویه خاص در انسان در شناسایی جنبه‌های اپیدمیولوژیک بیماری و ارائه برنامه کنترل اهمیت زیادی دارد. این مطالعه با هدف تعیین میزان شیوع مایکوپلاسمای نیتالیوم با تکنیک PCR در بیماران مبتلا به پرستاتیت انجام گرفت.

روش کار: در این مطالعه توصیفی- مقطعي، ۲۰۰ نمونه پارافینه پرستات که توسط متخصص پاتولوژی از بیماران دچار پرستاتیت که به بیمارستان‌های سطح تهران، در طی سال‌های ۸۷ تا ۹۰ مراجعه کرده بودند تهیه و به آزمایشگاه ارسال گردید. در آزمایشگاه پس از برش باقیها و استخراج ژنوم، با استفاده از ری‌ایم‌ر اختصاصی مایکوپلاسمای نیتالیوم برای تکثیر نواحی 465 bp ۱۶S، واکنش PCR انجام شد. بعد از انجام PCR و سکانس کردن، نمونه‌های مثبت تحت اثر آنزیم‌های محدودالاثر (TaqI, AluI, EcoRI, BbsI, Cac8I) قرار گرفتند.

یافته‌ها: ۴ نمونه از ۲۰۰ نمونه دارای قطعه مورد نظر بوده و در PCR مثبت شدند که هر چهار نمونه بعد از برش آنزیمی و تعیین توالی مشخص شد که از نوع مایکوپلاسمای نیتالیوم تیپ G₃₇ می‌باشد.

نتیجه گیری: وجود ژنوم مایکوپلاسمای نیتالیوم در نمونه‌های باقی پرستات نشان می‌دهد که این میکروارگانیسم می‌تواند بکی از عوامل ایجاد کننده پرستاتیت در مردان باشد. هر چند که برای اثبات دقیق این موضوع نیازمند مطالعات وسیع‌تر و با داشتن گروه‌های کنترلی می‌باشد.

دريافت: ۹۰/۹/۲۴ پذيرش: ۹۱/۱۰/۱۲

پرستاتیت رنج می‌برند و تحت درمان قرار می‌گیرند [۲]. انسداد آناتومیک یا نوروفیزیولوژیک مجاری ادراری باعث اختلال جریان ادراری و باعث بروز سندروم پرستاتیت می‌شود و از طرفی ریفلکس ادرار یا احتمالاً ورود باکتری به داخل مجاری پرستات مهمترین مکانیسم بروز پرستاتیت است [۳].

مطالعات مختلف نشان داده که عوامل باکتریایی مختلفی در ایجاد این عفونت نقش دارند و در این

مقدمه

پرستاتیت از بیماری‌های نسبتاً شایع ارولوژی می‌باشد. این بیماری شایع ترین بیماری در مردان کمتر از ۵۰ سال و سومین بیماری در مردان بالای ۵۰ سال بعد از هیپرپلازی خوش خیم پرستات (BPH)^۱ و کانسر پرستات است [۱]. تخمین زده شده که نیمی از مردان در طول زندگی خود از علائم

^۱ Benign prostatic hyperplasia

داده شد. استخراج DNA از نمونه ها با استفاده از QIA کیت مخصوص بافت پارافینه ساخت شرکت Geen واکنش PCR در حجم نهائی $30\text{ }\mu\text{l}$ در نظر گرفته شد. هر نمونه شامل: $15\text{ }\mu\text{l}$ 2X Master mix (ساخته کمپانی Ampliqon III کشور دانمارک) حاوی $1\text{ }\mu\text{gr}$, 1.5 mM MgCl_2 الکو, 2.0 pmol DNA از هر پرایمر R, F, آنزیم Taq پلی مراز و آب مقطر دوبار تقطیر استریل تا حجم $30\text{ }\mu\text{l}$ بود. پرایمرهای مورد استفاده که در آزمایشگاه ما طراحی گردید از ژن rRNA 16S انتخاب شدند و توسط شرکت سیناکلون سنتز شد عبارت بود از:

UuF 5'-TGG AGT TAA GTC GTA ACA AG-3'
UuR 5'-CTG AGA TGT TTC ACT TCA CC-3'

فرایند PCR در دستگاه ترموسایکلر شامل ۵ دقیقه ۹۵ درجه سلسیوس، به دنبال آن 30 سیکل . ۳۰ ثانیه در ۹۴ درجه سلسیوس، ۶۰ ثانیه در 56 درجه سلسیوس مرحله اتصال پرایمر و ۶۰ ثانیه در 72 درجه سلسیوس و در نهایت ۵ دقیقه در 72 درجه سلسیوس انجام گرفت.

برای بررسی محصولات PCR از الکتروفورز در ژل آگارز $1/5\text{ \%}$ و رنگ آمیزی DNA با رنگ اتیدیوم برداشت استفاده گردید. ژلهای با استفاده از دستگاه Gel Documentation (شکل ۱) و در نهایت محصول PCR بدست آمده (قطعه 465 bp) مایکوپلاسمما ژنیتالیوم جهت تأیید تعیین توالی شد. هم چنین در نهایت با استفاده از روش های آمارتوصیفی نتایج آنالیز گردیدند.

انجام برش آنزیمی یا PCR-RFLP :

بعد از دریافت سکانس DNA آمپلی فای مایکوپلاسمما ژنیتالیوم، با استفاده از برنامه BLAST ژنوتیپ آن سکانس با توالی ژنوم سکانس شده Algin شدند. سکانس مورد مطالعه به نرم افزار Web Cutter داده شد و لیست آنزیمها بعلاوه محل اثر آنزیم های محدودالاثر مختلف به دست آمد. در این مطالعه برای انجام PCR-RFLP محصولات PCR بدست

بین نقش باکتری های گرم منفی بیشتر مشخص شده است. هم چنین در سالهای اخیر مطالعاتی در خصوص نقش مایکوپلاسمما ژنیتالیوم انجام شده و مشخص گردیده که این عامل علاوه بر ایجاد بیماری های مانند، اورتیت، اندومتریت، سروپیسیت در ایجاد پرستاتیت نیز نقش دارد، ولی بدلیل اینکه تشخیص این عامل در آزمایشگاه های بالینی مشکل می باشد تاکنون نقش آن ها در هاله ای از ابهام باقی مانده است [۷-۳].

در حال حاضر استانداردهای تشخیص این عامل عغونی در آزمایشگاه ها کشت و روشهای سرولوژی می باشد. این روش ها علاوه بر سرعت و حساسیت پایینی که دارند، دارای معایین همچون کسب نتایج پس از ۲-۳ هفته و ایجاد واکنش های متقاطع با سایر میکروبها به خصوص با سایر مایکوپلاسمها را نیز دارند [۸,۹]. به همین دلیل امروزه از تکنیک های آمپلی- فیکاسیون اسید نوکلئیک (PCR) بجای روش های کشت و سرولوژی برای جداسازی آن از نمونه های کلینیکی استفاده می گردد [۱۰]. لذا این مطالعه با هدف شناسائی مایکوپلاسمما ژنیتالیوم با روش مولکولی PCR در نمونه های پارافینه شده بیماران مبتلا به پرستاتیت طراحی گردید.

روش کار

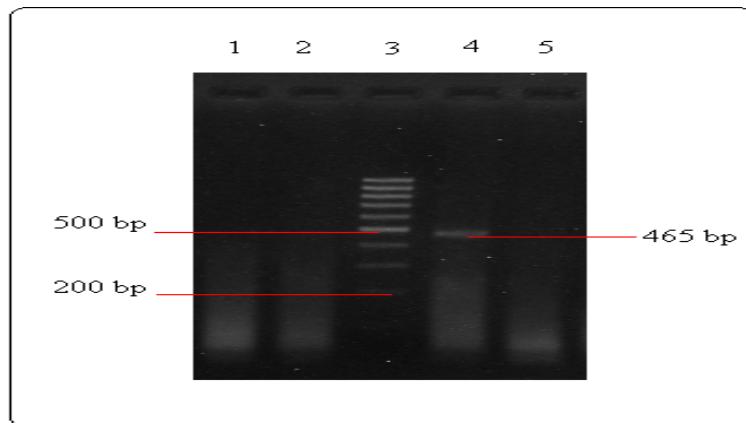
در این مطالعه $200\text{ }\mu\text{l}$ نمونه بافت پارافینه که پس از جراحی توسط متخصص پاتولوژی از بیماران دچار پرستاتیت که به بیمارستان های سطح تهران در طی سال های ۸۷ تا ۹۰ مراجعه کرده بودند تهیه و به آزمایشگاه ارسال گردید. لازم بذکر است که تنها از افرادی که توسط متخصص معاینه و مبتلا به پرستاتیت بودند نمونه برداری انجام می شد.

آماده سازی نمونه و انجام PCR:

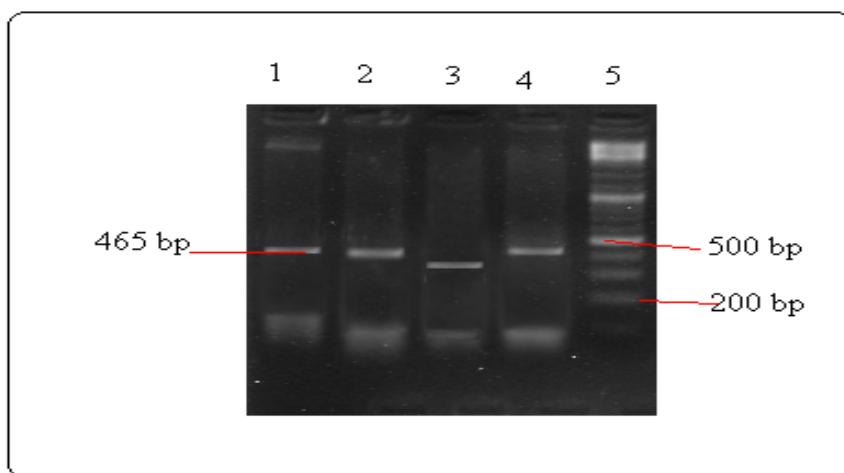
در آزمایشگاه با استفاده از میکروتوم و با تیغ های یکبار مصرف برش های $5-10\text{ }\mu\text{m}$ میکرونی از قالب های پارافینه تهیه و به داخل میکروتیوب های استریل انتقال

میکروتیوب های حاوی تمام آنزیم ها به جز آنزیم I در بن ماری ۳۷ درجه سلسیوس و میکروتیوب Taq I حاوی آنزیم I در ترموسایکلر در دمای ۶۵ درجه سلسیوس به مدت ۲ ساعت قرار گرفتند. بعد از ۲ ساعت محصول PCR بدون آنژیم RFLP روی ژل آکاراز ۱/۳% همراه با مارکر و محصول PCR محدود الاثر Taq I گردیدند (شکل ۲).

آمده از مایکوپلاسمای نیتالیوم تحت اثر آنزیم های *Cac8I*, *BbsI*, *EcoRI*, *AluI*, *TaqI* محدودالاثر قرار گرفتند. برای انجام برش آنزیمی، ابتدا واکنش 15 min زیر برای نمونه هائی که مثبت شده بودند تبیه شدند: $1\text{ ml}/3\text{ ml}$ آب مقطر استریل، $1\text{ ml}/5\text{ ml}$ بافر آنزیم، $1\text{ ml}/2\text{ ml}$ آنزیم محدودالاثر، $1\text{ ml}/7\text{ ml}$ محصول PCR. بعد از تبیه واکنش های فوق به طور جداگانه،



شكل ١. تصویر ڈل الکتروفورز مایکرولاسما ٹینتالیوم، نمونه ٤ از نظر مایکرولاسما ٹینتالیوم ثابت می باشد۔ ردیف ۳ مارکر (100bp DNA ladder) شکل ٢. تجسسی نمونہ ها از نظر مایکرولاسما ٹینتالیوم منفی می باشند۔ (SM#333)



شکل ۲. تصویر ژل الکتروفورز برش آنژیمی مایکوپلاسما ژنیتالیوم، ردیف های ۱ و ۲ نشان دهنده محصول PCR مثبت مایکوپلاسما ژنیتالیوم که با آنزیم های TaqI و آنزیم BbsI برش خورددند. ردیف ۳ محصول هضم آنژیمی محصول PCR مثبت مایکوپلاسما ژنیتالیوم که با آنزیم اختصاصی خود یعنی Cac8I برش خورده و دو قطعه bp ۳۹۲ و ۷۲bp ایجاد شده است. ردیف ۴ محصول PCR مثبت مایکوپلاسما ژنیتالیوم که تحت برش آنژیمی قرار گرفته و به عنوان کنترل مثبت در نظر گرفته شد. ردیف ۵ مارکر (100bp DNA ladder, SM#333)

آزمون آماری

های مورد بررسی قالب های پارافینه نسج پرستات بود [۱۱].

در مطالعه ای که توسط Kim و همکاران با عنوان شناسایی ارگانیسم های ناشناخته در بیماران مبتلا به پرستاتیت با روش Multiplex PCR انجام شد از ۹۲ نمونه ادرار و ترشحات پرستات، ۴ نمونه مایکوپلاسمما ژنیتالیوم از این افراد جدا شد که این نتیجه مشابه مطالعه حاضر بود و نشان داد که مایکوپلاسمما ژنیتالیوم را می توان یک عامل موثر در پرستاتیت در نظر گرفت [۱۲].

در مطالعه حاضر برخلاف مطالعه ای که آقای Krienger و همکاران انجام دادند، از ۱۳۵ نمونه، مورد مایکوپلاسمما ژنیتالیوم از نمونه های تهییه شده از مردان مبتلا به پرستاتیت ایزووله شد که این تفاوت می تواند ناشی از تعداد نمونه مورد بررسی و شرایط و نوع PCR آن ها باشد [۱۳].

مطالعه حاضر تطابق نسبی با مطالعات مختلفی که در ارتباط با بررسی میزان جداسازی مایکوپلاسمما ژنیتالیوم در نقاط مختلف دنیا انجام گرفته است، دارد و لازم به ذکر است که تفاوت های مشاهده شده ممکن است ناشی از نوع نمونه گیری باشد، به این علت که در مطالعه حاضر از نمونه های بلوك های پارافینه شده پرستات استفاده شد. لازم به ذکر است که در کشور ما در مورد میزان جداسازی مایکوپلاسمما ژنیتالیوم از نمونه های کلینیکی مطالعه کمی انجام شده است [۱۵، ۱۶].

مشابه این مطالعه و بررسی با این آنژیم مطالعه ای صورت نگرفته، ولی سایر مطالعات که براساس برش P110/MG192 آنژیم ژن های دیگر به خصوص انجام شده نشان می دهد که هتروژنیسیتی در لوکوس سکانس P110/MG192 مشاهده می شود و چون بعد از برش آنژیمی، الگوهای متفاوتی ایجاد می گردد و هتروژنیسیتی ژنتیکی وجود دارد، عفونت نمی تواند ناشی از انتشار یک سوبه تکی باشد [۱۶].

اطلاعات جمع آوری شده برای تعیین تعداد نمونه مثبت و منفی ارزیابی شدند. سپس با استفاده از آزمون های توصیفی این نتایج آنالیز گردیدند و اطلاعات بصورت تعداد (درصد) بیان شدند.

یافته ها

از ۲۰۰ نمونه بافت پارافینه افراد مبتلا به پرستاتیت، PCR استخراج شده، بعد از DNA نمونه PCR مثبت بودند. که نتایج PCR-RFLP نشان داد پس از برش آنژیمی محصول PCR نمونه های بالینی مثبت، در الگوهای برش آنژیمی بدست آمده تفاوتی وجود نداشت و همگی دارای یک الگو بودند، لذا نتایج PCR-RFLP علاوه بر تأیید نتیجه PCR به همراه نتایج سکانسینگ نشان داد که در بین ۴ نمونه مایکوپلاسمما ژنیتالیوم هتروژنیسیتی ژنتیکی وجود ندارد و عفونت ها در افراد مختلف می توانند ناشی از یک سوبه مایکوپلاسمما ژنیتالیوم G37 باشند. لازم بذکر است که سکانس به دست آمده محصول PCR با سکانس ژنوم سوبه مایکوپلاسمما ژنیتالیوم G37 (به عنوان سکانس پروتاپ رفرانس) یکسان می باشند، لذا می توان گفت که گونه شایع مایکوپلاسمما ژنیتالیوم G37 می باشد.

بحث

در مطالعه حاضر مایکوپلاسمما ژنیتالیوم از نمونه های تهییه شده از مردان مبتلا به پرستاتیت ایزووله شد که این برخلاف مطالعه ای که آقای Lee و همکارانش انجام دادند و از نمونه های پرستات هیچ موردی از مایکوپلاسمما ژنیتالیوم ایزووله نکرده بودند، بود. این اختلاف می تواند ناشی از نوع مطالعه، جمعیت مورد مطالعه، تعداد نمونه، روش نمونه گیری، سن بیماران، نژاد، فرهنگ، منطقه جغرافیایی و روش آزمایشگاهی (کشت و نوع PCR) باشد. برای مثال نمونه مورد بررسی آنها ادرار بود که در مطالعه حاضر نمونه

ژنیتالیوم G37 بودند. لازم بذکر است که با توجه به محدودیت های موجود در اجرای این مطالعه، مانند تبیه بافت پارافینه و بررسی عوامل میکروبی مختلف با توجه به بودجه ناکافی، عوامل میکروبی دیگر که امکان دارند در ایجاد پروستاتیت نقش داشته باشند مورد بررسی قرار نگرفتند که پیشنهاد می شود محققان دیگر این کار را انجام دهند.

تشکر و قدردانی

نویسندگان مقاله از معاونت محترم دانشگاه علوم پزشکی تهران و کارکنان محترم گروه میکروب شناسی که ما را در اجرای این مطالعه یاری نمودند تشکر می نماید. در ضمن از خانم دکتر میرکلانتری و آقای دکتر احمدی به خاطر زحمات بی دریغشان سپاس گزاریم.

مطالعه حاضر از نظر به دست آوردن یک تیپ در بین نمونه های کلینیکی مشابه مطالعه Hjorth و همکاران می باشد که سوش های کلینیکی مورد بررسی آن ها قادر بر ش آنزیم مورد استفاده بوده و همگی از یک تیپ بودند [۱۷].

نتیجه گیری

به طور کلی می توان گفت که مایکوپلاسمما ژنیتالیوم می تواند یکی از عوامل احتمالی پروستاتیت باشد و سنجش PCR بر مبنای سکانس های ۱۶S rRNA یک تکنیک ارزشمند و قابل اعتماد جهت شناسایی مایکوپلاسمما ژنیتالیوم در بیماری پروستاتیت می باشد. از طرفی مطالعه حاضر نشان داد که تمامی ایزوله های مایکوپلاسمما ژنیتالیوم یکسان بودند و تفاوتی در الگوهای آنزیمی این باکتری بعد از PCR- RFLP مشاهده نشد و همگی از نوع مایکوپلاسمما

References

- 1- Murphy AB, Macejko A, Taylor A, Nadler RB. Chronic prostatitis: management strategies. Drugs. 2009; 69(1):71-84.
- 2- Nickel JC. Treatment of chronic prostatitis/chronic pelvic pain syndrome. Int J Antimicrob Agents. 2008; 31(Suppl 1):S112-6.
- 3- Xia SJ, Cui D, Jiang Q. An overview of prostate diseases and their characteristics specific to Asian men. Asian J Androl. 2012; 14(3):458-64.
- 4- McGowin CL, Anderson-Smits C. *Mycoplasma genitalium*: an emerging cause of sexually transmitted disease in women. PLoS Pathog. 2011; 7(5): e1001324.
- 5- Jensen JS. *Mycoplasma genitalium*: the aetiological agent of urethritis and other sexually transmitted diseases. J Eur Acad Dermatol Venereol. 2004; 18(1):1-11.
- 6- Ishihara S, Yasuda M, Ito S, Maeda S, Deguchi T. *Mycoplasma genitalium* urethritis in men. Int J Antimicrob Agents. 2004; 24(Suppl 1):S23-7.
- 7- Uusküla A, Kohl PK. Genital mycoplasmas, including *Mycoplasma genitalium*, as sexually transmitted agents. Int J STD AIDS. 2002; 13(2):79-85.
- 8- Baseman JB, Cagle M, Korte JE, Herrera C, Rasmussen WG, Baseman JG. Diagnostic assessment of *Mycoplasma genitalium* in culture-positive women. J Clin Microbiol. 2004; 42(1): 203-11.
- 9- Sung H, Kang SH, Bae YJ , Hong JT, Chung YB, Lee CK, et al. PCR-based detection of *Mycoplasma* species. J Microbiol. 2006; 44(1):42-49.
- 10- Jensen JS, Borre MB, Dohn B. Detection of *Mycoplasma genitalium* by PCR amplification of the 16S rRNA gene. J Clin Microbiol. 2003, 41(1): 261–66.
- 11- Lee SR, Chung JM, Kim YG. Rapid One Step Detection of Pathogenic Bacteria in Urine with Sexually Transmitted Disease (STD) and Prostatitis Patient by Multiplex PCR Assay (m PCR). J Microbiol. 2007; 45(5):453-9.

- 12- Kim TH, Kim HR, Lee MK, Myung SC, Kim YS. Detection of Cryptic Microorganisms in Patients with Chronic Prostatitis by Multiplex Polymerase Chain Reaction. Korean J Urol. 2007; 48(3):304-309.
- 13- Krieger JN, Riley DE. Prostatitis: what is the role of infection. Int J Antimicrob Agents. 2002; 19(6):475-9.
- 14- Vatani Sh, Ghazi Saeidi K, Mohammadi M, Naji AR, Fatemi Nasab F, Zeraati H, et al. The survey of contamination with genital Mycoplasma in women with bacterial vaginosis by PCR method. Journal of Gorgan University of medical sciences. 2006; 8(17): 45-50. (Full text in Persian)
- 15- Amirmozafari N, Mirnejad R, Kazemi B, Sariri E, Bojari MR, Dehdar Darkahi F. Simultaneous Detection of Genital Mycoplasma in Women with genital infections by PCR. Journal of Biological Science; 2009, 9(8):804-09.
- 16- Musatovova O, Herrera C, Baseman JB. Proximal region of the gene encoding cytadherence-related protein permits molecular typing of *Mycoplasma genitalium* clinical strains by PCR-restriction fragment length polymorphism. J Clin Microbiol. 2006; 44(2):598-603.
- 17- Hjorth SV, Björnelius E, Lidbrink P. Sequence-based typing of *Mycoplasma genitalium* reveals sexual transmission. J Clin Microbiol. 2006; 44(6):2078-83.